

## **Maskinlæring- og kunstig intelligens metodikk innen epidemiologi, genetikk og modellering**

Seksjon for modellering og bioinformatikk, i Avdeling for metodeutvikling og analyse ved Område for Smittevern, har lenge brukt og utviklet maskinlæringsmetoder til både å håndtere store data mengder samt lage prediktive modeller innen mange forskjellige områder relatert til folkehelse. Noen eksempler på dette er:

[Prognoser ved utbrudd av smittsomme sykdommer](#)

[Utbredelse av antibiotika resistens](#)

[Vert - patogene interaksjoner](#)

[Vert - patogene interaksjoner \(2\)](#)

[Estimering av biologisk aldring](#)

[...og gestasjonsalder](#)

[Kartlegging av genetisk populasjonsstruktur i Norden](#)

[Utvikling av metoder for gen-finning](#)

[...og kvantifisering av gen-repetisjoner](#)

Flere i seksjonen bruker også kunstig intelligens til metode- og modellutvikling.

Kontakt: [Jon Bohlin](#)