

Statusrapport for luftveisinfeksjoner Sesongen 2026/27

Uke 42 (2026)

Publiseringsdato 22.10.2026

Innhold

Sammendrag og vurdering	3
Konsultasjoner ved legekantor og legevakt (NorSySS)	5
Luftveisinfeksjoner (samlet)	5
Influenalignende sykdom	6
Testing og påvisninger	6
Luftveisagens	6
Luftveivirus gjennom fyrårnsystemet	11
Overvåking av virus	13
Sirkulerende influensavirus i Norge	13
Genetisk karakterisering av influensavirus	16
A/H1N1-virus	17
A/H3N2-virus	17
B/Victoria-virus	17
Sirkulerende SARS-CoV-2 i Norge	18
Resistens mot antivirale midler	18
Influensavirus	18
SARS-CoV-2	18
Varsel om utbrudd av luftveisinfeksjon	19
Sykehusinnleggelser	20
Innleggelser med luftveisinfeksjon	21
Innleggelser med covid-19	22
Innleggelser med influensa	23
Dødelighet	24
Dødsfall uansett årsak	24
Utvikling over tid	24
Antall dødsfall per uke	25
Dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon, inkludert covid-19 og influensa	25

Vaksinasjon mot covid-19 og influensa	27
Vaksinasjonsdekning i befolkningen	27
Luftveisinfeksjoner globalt	28
Om overvåkingssystemene og datakildene.....	29
Konsultasjoner ved legekontor og legevakt (NorSySS)	29
Meldingssystem for smittsomme sykdommer (MSIS)	29
Sentinel Fyrtårnsystemet – Integrert overvåking av luftveisvirusinfeksjoner i primærhelsetjenesten	29
Virologisk overvåking	29
Dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon, inkludert covid-19 og influensa	30
Nasjonalt vaksinasjonsregister (SYSVAK)	30
Utbrudd av covid-19, influensa og andre luftveisagens i helseinstitusjoner (Vesuv)	30
Sykehusinnleggelser	30
Dødsfall uansett årsak	31
Stat19	32

Sammendrag og vurdering

- Det er normalt nivå av luftveisinfeksjoner for årstiden. Vanlige forkjølelsesvirus, rhinovirus, påvises hyppigst.
- Rhinovirusinfeksjon: Etter en topp i uke 37 er forekomsten nå nedadgående. Andel prøver med påvist rhinovirus var på 22 % i uke 42 etter 24 % i uke 41. Forekomsten er høyest blant barn i aldersgruppen 0-4 år, hvor 42 % av de testede fikk påvist rhinovirus i uke 42.
- Influenza: Forekomsten er svært lav og stabil, men noe høyere enn de foregående årene på denne tiden. Andelen prøver med påvist influensavirus har gått fra 2 % til 3 % over de siste 10 ukene. Den siste uken var andelen av positive prøver på 3 % i alle aldersgrupper bortsett fra barn <1 år, hvor det ikke var noen påvisninger. De aller fleste påvisningene er influensavirus A, og det var H1N1-subtypen som ble påvist hyppigst i uke 41 (86 % av subtypede influensa A). En oppdatert oversikt over sirkulerende influensavarianter er tilgjengelig via FHIs statistikkportal: [Sesong 2025/26](#), [Sesong 2026/27](#).
- Covid-19: Forekomsten er svært lav. Andel prøver med påvist SARS-CoV-2 var på 3% i uke 41 og 42, etter å ha vært på 2 % de foregående 9 ukene. Bland sekvenserte virus har den rekombinante XFG-varianten vært den hyppigst påviste gjennom sensommeren og høsten 2026. Oppdatert oversikt over SARS-CoV-2-varianter er tilgjengelig via FHIs statistikkportal: [Varianter av SARS-CoV-2 - Mikrobiologisk genomovervåkning \(NGS\) - FHI Statistikk](#)
- Vaksinasjon mot influensa: Hovedutsendingen av influensavaksiner til programmet er i perioden uke 43-46, noe som er tre uker senere enn vanlig. Apotekene har mottatt vaksiner til privatmarkedet og det har derfor likevel vært noe vaksinerings mot influensa. Det er registrert i overkant av 100 000 vaksinasjoner i SYSVAK, hvorav omtrent halvparten er i aldersgruppen over 65 år. Dekningen er per 18. oktober 5 % i denne aldersgruppen. Se [Vaksineanbefalinger](#) for sesongen 2026-27.
- Vaksinasjon mot covid-19: Aldersgruppen 75 år og eldre samt yngre som tilhører en risikogruppe er i høst anbefalt en ny oppfriskningsdose. Per 18. oktober var 0,8 % i aldersgruppen 75 år og eldre vaksinert siden 24. august 2026. Se [Vaksineanbefalinger](#) for sesongen 2026/27.
- Forebygging av luftveisinfeksjon: Beskyttelse av risikogruppene gjøres først og fremst gjennom vaksinasjon mot [covid-19](#) og [influensa](#). Influensavaksinene vil bli sendt ut i uke 43-46. Se: [Forsinkelser i distribusjon av sesonginfluensavaksiner 2026/2027 \(oppdatert med kjørelistor for uke 43-44\) - FHI](#). Hovedmålet med smittevern rådene er å redusere smitte til personer som har høyere risiko for å bli alvorlig syke av luftveisinfeksjoner, som kronisk syke og eldre. Se [Luftveisinfeksjoner – råd og informasjon til befolkningen](#) og [Råd til personer med risiko for alvorlig forløp av luftveisinfeksjoner](#).
- Se også [FHIs dashboard for luftveisstatistikk](#).

Tabell 1. Status og utvikling – hovedindikatorer fra de ulike overvåkingssystemene siste seks uker.

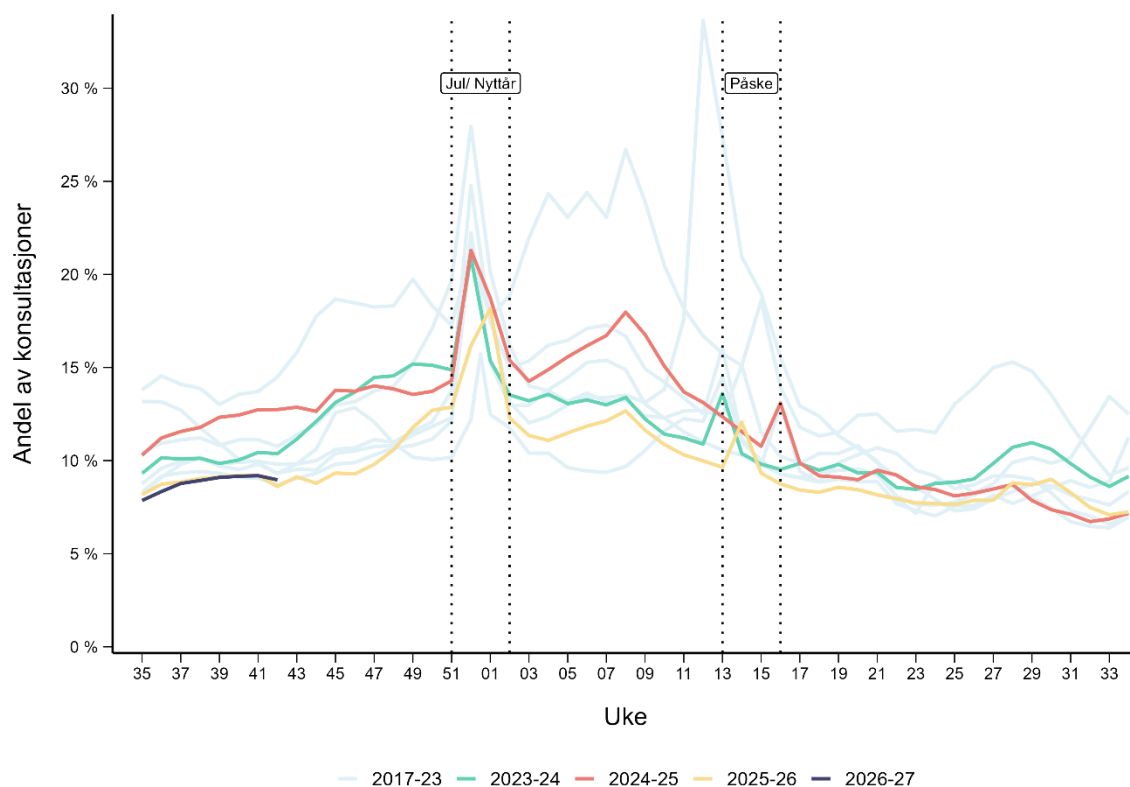
Sykdom	Uke					
	37	38	39	40	41	42
Luftveisinfeksjoner						
Andel konsultasjoner for luftveisinfeksjoner blant alle konsultasjoner	8,8 %	8,9 %	9,1 %	9,2 %	9,2 %	9 %
Antall sykehusinnleggelser med luftveisinfeksjon	1040	1008	1027	1044	915	-
Antall dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon	97	103	111	99	115	96
Covid-19						
Andel konsultasjoner for bekreftet covid-19 blant alle konsultasjoner	0,02 %	0,02 %	0,02 %	0,02 %	0,03 %	0,02 %
Andel personer som testet positivt for SARS-CoV-2 blant de testede	1,9 %	1,6 %	2,3 %	2,3 %	2,7 %	2,9 %
Antall varslede covid-19 utbrudd i helseinstitusjoner	0	0	0	0	1	0
Antall sykehusinnleggelser med covid-19	23	26	36	42	36	30
Antall covid-19 assosierte dødsfall	0	1-4	1-4	0	1-4	1-4
Influenza						
Andel konsultasjoner med influensadiagnose blant alle konsultasjoner	0,2 %	0,2 %	0,2 %	0,3 %	0,3 %	0,3 %
Andel personer som testet positivt for influensavirus blant de testede	1,7 %	2,2 %	2,1 %	2,5 %	2,8 %	2,9 %
Antall varslede influensautbrudd i helseinstitusjoner	0	1	0	1	0	0
Antall sykehusinnleggelser med influensa	27	33	46	40	40	47
Antall influensarelaterte dødsfall	1-4	1-4	1-4	1-4	1-4	1-4
Rhinovirus						
Andel personer som testet positivt for rhinovirus blant de testede	30,9 %	30,4 %	28,3 %	26,2 %	23,7 %	21,5 %
Antall sykehusinnlagte personer som testet positivt for rhinovirus	202	206	202	173	196	147

Konsultasjoner ved legekantor og legevakt (NorSySS)

Folkehelseinstituttet mottar informasjon om konsultasjoner på legekantor og legevakt der en diagnosekode er satt via det norske syndrom-overvåkingssystemet (NorSySS). Overvåkingen gjennom NorSySS gir en indikasjon på sykdomsutviklingen i befolkningen og oversikt over eventuelle utbrudd, uten å gi et nøyaktig antall syke. Oppmerksomhet rundt utbrudd kan påvirke nivået av legesøkning i primærhelsetjenesten og tallene bør derfor tolkes med forsiktighet. Det er forsinkelse i rapporteringen og resultatene under vil derfor kunne endre seg, spesielt de siste ukene. Toppene ved jul, nyttår, og påske- og vinterferie kan delvis skyldes endret legesøkningsadferd. I denne rapporten brukes data for konsultasjoner med covid-19, influensa og et utvalg luftveisdiagnosekoder. Resultatene er basert på et datasett fra NorSySS med data fra KUHR, Folkehelseinstituttet, oppdatert 21. oktober 2026.

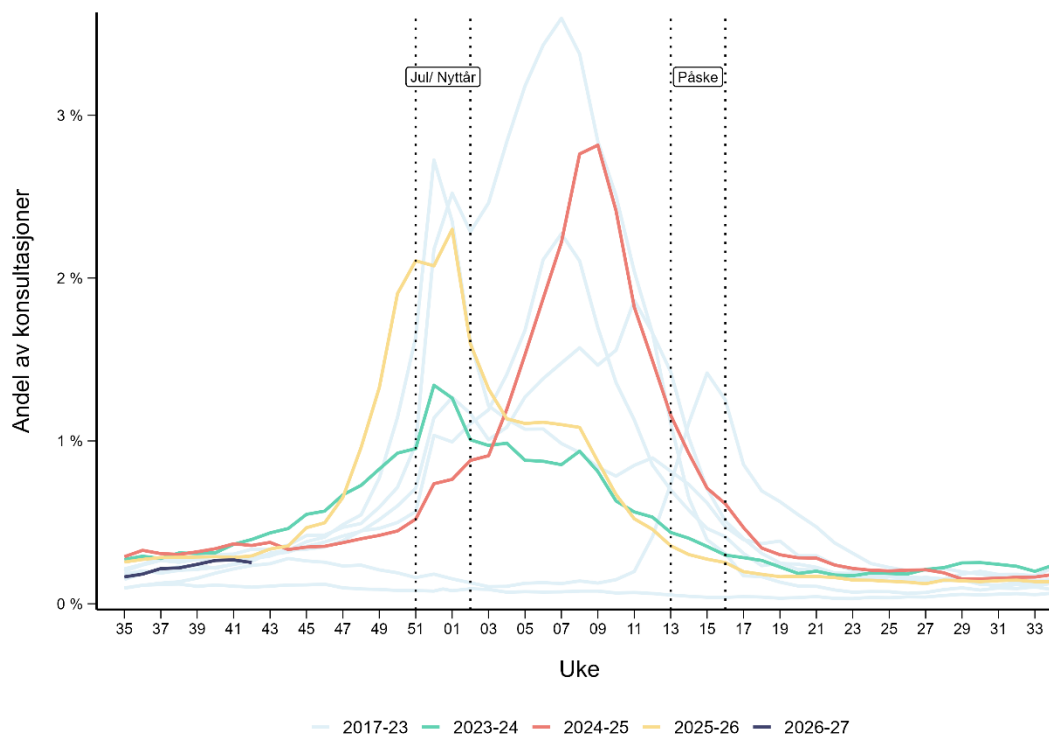
Nivåinndelingene for influensaaktivitet baseres på data fra foregående sesonger. Derfor varierer terskelverdiene noe fra sesong til sesong. Sesongens influensautbrudd defineres normalt som i gang når andelen influensa (R80)/ influensalignende sykdom (ILS) overskrider terskelen for «lav» intensitet. Nivåinndeling for influensaaktivitet for fylker og aldersgrupper er beregnet ved hjelp av data fra foregående sesonger for aktuelt geografisk område eller aldersgruppe.

Luftveisinfeksjoner (samlet)



Figur 1. Ukentlig andel konsultasjoner for luftveisinfeksjoner etter sesong, 28.08.2017 –18.10.2026. Kilde: NorSySS med data fra KUHR, Folkehelseinstituttet. Følgende ICPC-2 diagnosekoder inkludert: R01-05, R07-09, 21, R24-25, R27, R29, R33, R71-72, R74-83, R99, R991, R992 og A03.

Influensalignende sykdom



Figur 2. Ukentlig andel konsultasjoner for influensalignende sykdom etter sesong, 28.08.2017 –18.10.2026. Kilde: NorSySS med data fra KUHR, Folkehelseinstituttet.

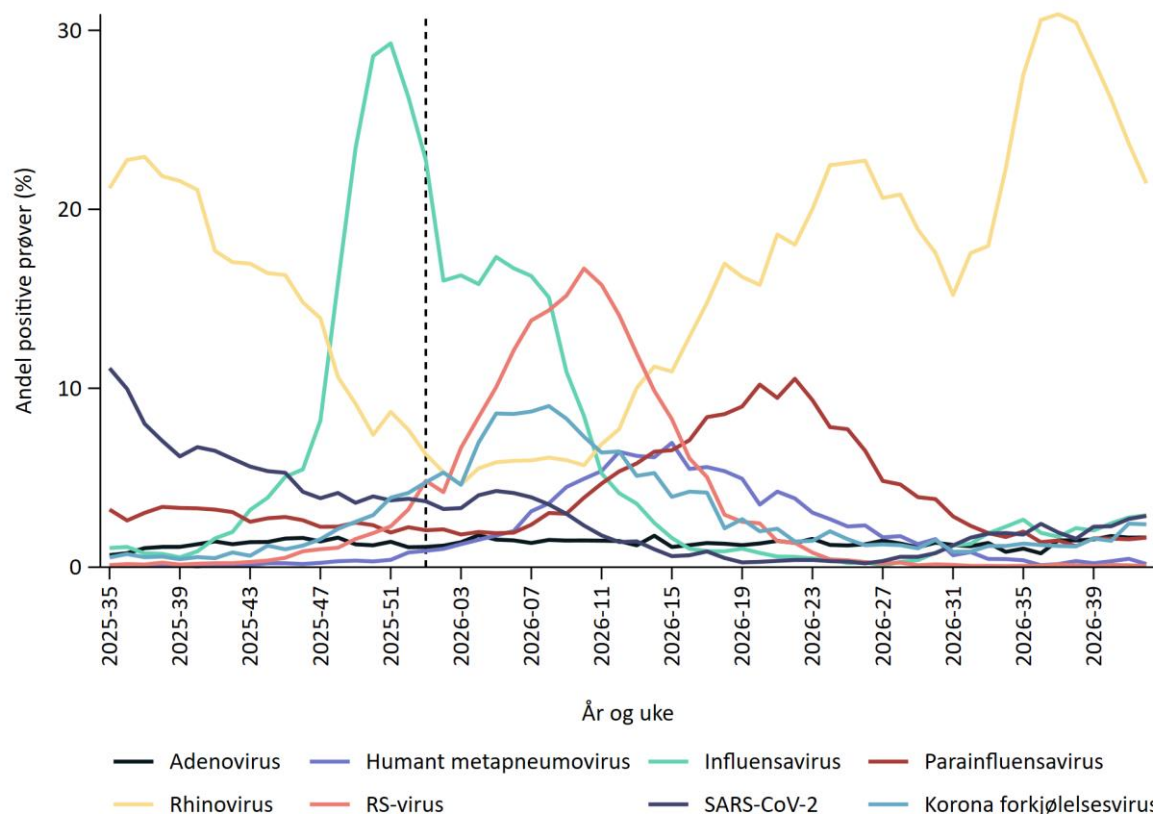
Testing og påvisninger

Luftveisagens

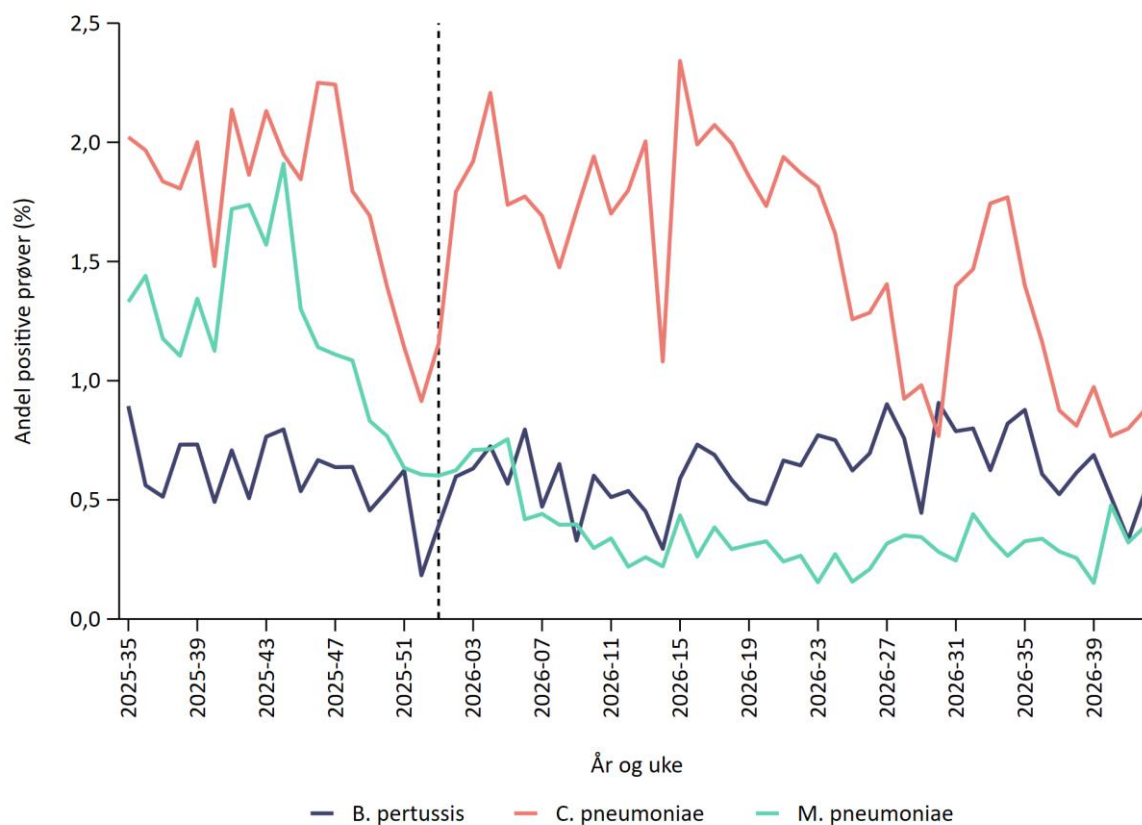
Positive og negative prøveresultater for adenovirus i luftveisprøver, influensavirus (A, B), humant metapneumovirus, parainfluenzavirus, respiratorisk syncytial (RS-) virus, rhinovirus (humant rhinovirus), SARS-CoV-2, korona forkjølelsesvirus, *Bordetella pertussis*, *Chlamydia (Chlamydophila) pneumoniae* og *Mycoplasma pneumoniae* fra landets medisinske mikrobiologiske laboratorier meldes fortløpende elektronisk til MSIS-laboratoriedatabasen. Datagrunnlaget for korona forkjølelsesvirus før mars 2025 er ikke komplett. Tallene i rapporten baserer seg på prøvedato og presenterer antall personer testet per uke for smittestoffene nevnt over. En person kan ha blitt testet flere ganger i løpet av en sesong og vil dermed telles flere ganger. En person kan også ha blitt testet for flere smittestoff og vil dermed også telles flere ganger. Etterjusteringer kan forekomme. Innholdet i rapporten kan variere fra uke til uke, avhengig av hvilke smittestoff som sirkulerer.

Merk at for *Bordetella pertussis*, bakterien som forårsaker kikhoste, kan tallene avvike noe fra det som blir rapportert til MSIS-registeret. MSIS labdatabasen inneholder informasjon om PCR-prøver, mens til MSIS-registeret meldes også kikhostetilfeller som har testet positivt ved andre undersøkelser og mistenkte tilfeller i henhold til [meldingskriteriene til MSIS](#).

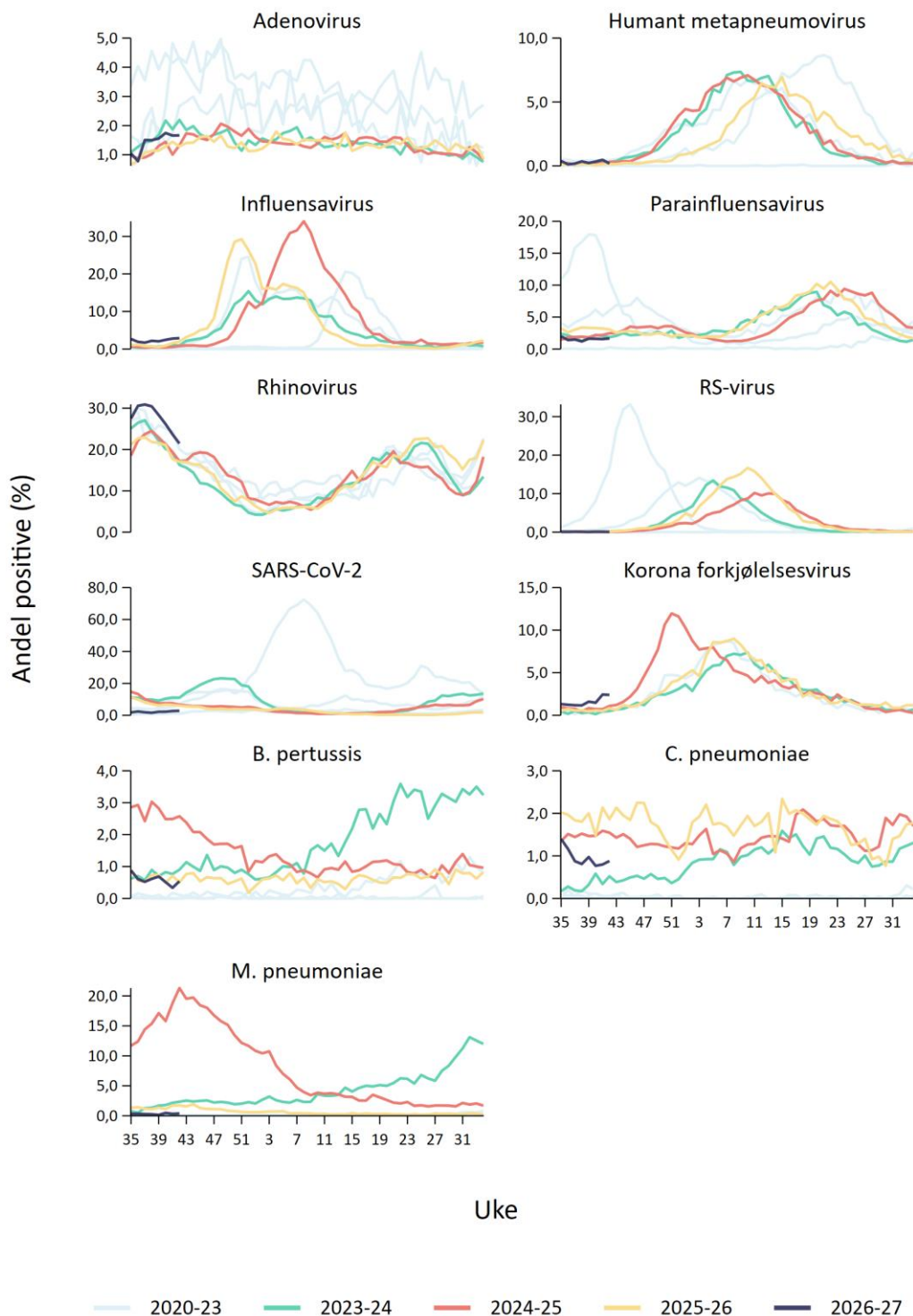
Resultatene er basert på et datasett fra MSIS-laboratoriedatabasen oppdatert 21. oktober 2026.



Figur 3. Ukentlig andel personer som testet positivt for adenovirus (luftveisprøver), influenzavirus, humant metapneumovirus, parainfluenzavirus, respiratorisk syncytial (RS-) virus, rhinovirus, SARS-CoV-2 og korona forkjølelsesvirus, Norge, 25.08.2025 – 18.10.2026. Svart stiplet linje markerer uke 1 for 2026. Kilde: MSIS-labdatabasen.



Figur 4. Ukentlig andel personer som testet positivt for *Bordetella pertussis*, *Chlamydia (Chlamydophila) pneumoniae* og *Mycoplasma pneumoniae*, Norge, 25.08.2025 – 18.10.2026. Svart stiplet linje markerer uke 1 for 2026. Kilde: MSIS-laboratoriedatabasen.



*Merk at y-aksene er ulike for hver agens

Figur 5. Ukentlig andel personer som testet positivt for adenovirus (luftveisprøver), influenzavirus, humant metapneumovirus, parainfluenzavirus, respiratorisk syncytial (RS-) virus, rhinovirus, SARS-CoV-2, korona forkjølelsvirus, Bordetella pertussis, Chlamydia (Chlamydophila) pneumoniae og Mycoplasma pneumoniae, etter sesong, 24.08.2020 – 18.10.2026. Kilde: MSIS-labdatabasen

Tabell 2. Ukentlig antall personer testet og som testet positivt, samt andel som testet positivt for adenovirus i luftveisprøver, humant metapneumovirus, humant rhinovirus, influensavirus, parainfluenzavirus, respiratorisk syncytial (RS-) virus, SARS-CoV-2, korona forkjølelsesvirus, Bordetella pertussis, Chlamydia pneumoniae og Mycoplasma pneumoniae de siste 6 ukene, 07.09.2026 – 18.10.2026. Kilde: MSIS-laboratoriedatabasen.

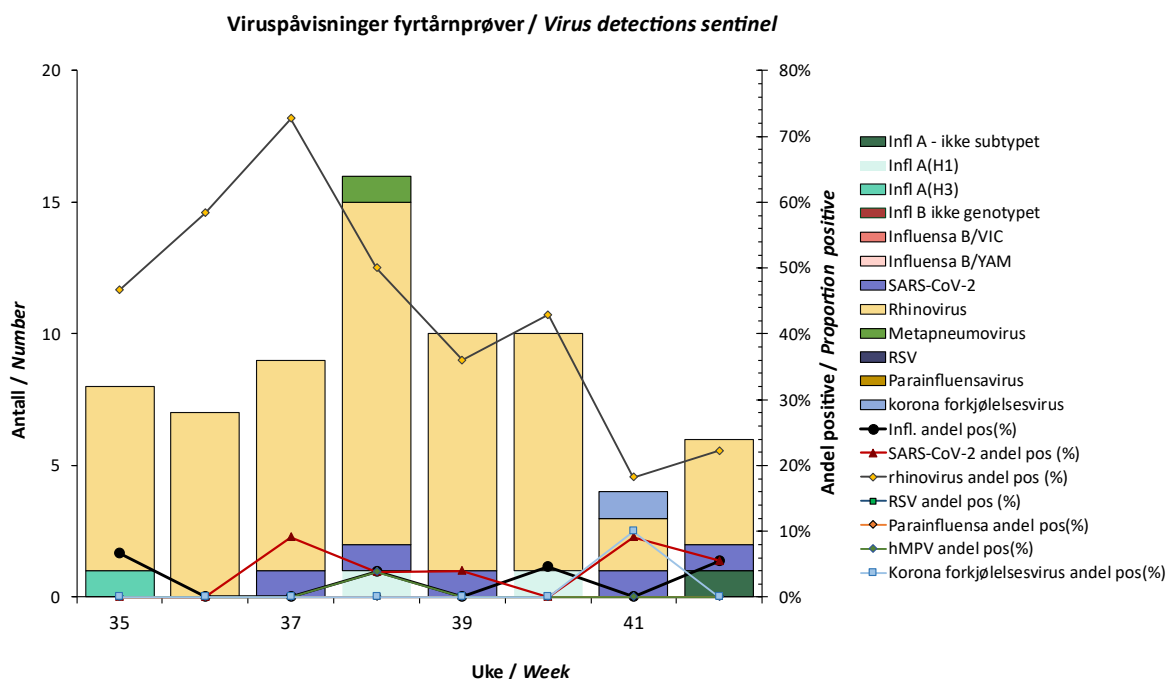
Smittestoff	Type	Uke					
		37	38	39	40	41	42
Adenovirus i luftveisprøver	Andel positive	1,5 %	1,5 %	1,6 %	1,7 %	1,7 %	1,7 %
	Antall positive	63	64	70	77	75	77
	Antall tester	4 183	4 274	4 492	4 410	4 524	4 625
Humant metapneumovirus	Andel positive	0,2 %	0,3 %	0,2 %	0,3 %	0,5 %	0,2 %
	Antall positive	8	16	11	16	23	9
	Antall tester	4 470	4 581	4 856	4 745	4 871	4 943
Influenzavirus	Andel positive	1,7 %	2,2 %	2,1 %	2,5 %	2,8 %	2,9 %
	Antall positive	90	121	117	139	160	171
	Antall tester	5 292	5 526	5 702	5 660	5 751	5 884
Parainfluenzavirus	Andel positive	1,5 %	1,2 %	1,6 %	1,6 %	1,6 %	1,7 %
	Antall positive	65	53	76	74	74	80
	Antall tester	4 347	4 487	4 695	4 620	4 733	4 833
Rhinovirus	Andel positive	30,9 %	30,4 %	28,3 %	26,2 %	23,7 %	21,5 %
	Antall positive	1 363	1 371	1 349	1 216	1 118	1 036
	Antall tester	4 410	4 503	4 760	4 649	4 721	4 828
RS-virus	Andel positive	0,2 %	0,1 %	0,05 %	0,1 %	0,1 %	0,07 %
	Antall positive	8	6	3	7	6	4
	Antall tester	5 146	5 389	5 577	5 517	5 558	5 705
SARS-CoV-2	Andel positive	1,9 %	1,6 %	2,3 %	2,3 %	2,7 %	2,9 %
	Antall positive	102	88	129	129	155	168
	Antall tester	5 269	5 516	5 693	5 631	5 741	5 863
Korona forkjølelsesvirus	Andel positive	1,2 %	1,2 %	1,6 %	1,5 %	2,4 %	2,4 %
	Antall positive	31	30	45	39	64	66
	Antall tester	2 606	2 569	2 804	2 642	2 626	2 750
<i>B. pertussis</i>	Andel positive	0,5 %	0,6 %	0,7 %	0,5 %	0,3 %	0,5 %
	Antall positive	25	30	35	26	17	28
	Antall tester	4 773	4 882	5 085	5 077	5 091	5 173
<i>C. pneumoniae</i>	Andel positive	0,9 %	0,8 %	1 %	0,8 %	0,8 %	0,9 %
	Antall positive	43	41	51	40	42	47
	Antall tester	4 911	5 055	5 236	5 212	5 256	5 339
<i>M. pneumoniae</i>	Andel positive	0,3 %	0,3 %	0,2 %	0,5 %	0,3 %	0,4 %
	Antall positive	14	13	8	25	17	21
	Antall tester	4 940	5 083	5 277	5 241	5 289	5 371

Luftveivirus gjennom fyrtårnsystemet

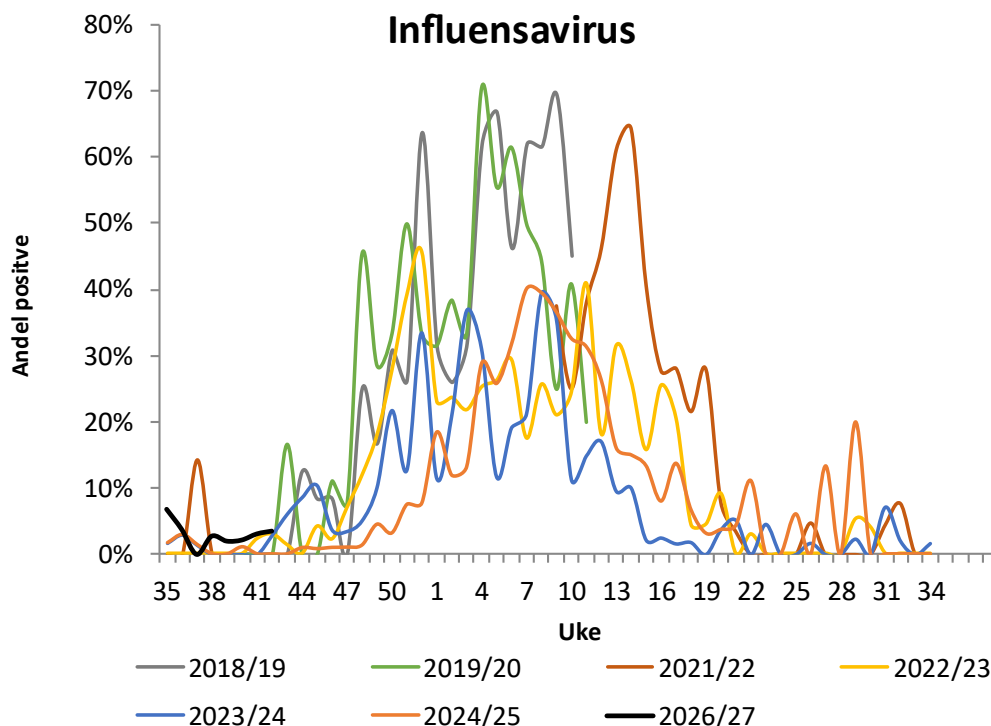
Sentinel fyrtårnsystemet er en integrert overvåking av de mest aktuelle luftveivirus. Overvåkingen er basert på et nettverk av fyrtårnleger (fastleger og legevakter) som sender inn prøver fra pasienter med symptomer på akutt luftveisinfeksjon for utvidet luftveiviruspåvisning, samt klinisk informasjon om pasientene. Dette gjøres for å få en bedre samlet oversikt over luftveivirusinfeksjoner blant pasienter i primærhelsetjenesten, og for å kunne se på samspillet mellom disse virusene gjennom sesongen og forskjeller i kliniske symptomer. Et visst forbehold må tas i tolkning av data da det enkelte uker kan være få prøver gjennom dette systemet.

Resultatene er basert på et datasett fra MSIS-labdatabasen og nasjonalt influensasenter, Folkehelseinstituttet oppdatert 21. oktober 2026.

For uke 42/2026 er det hittil analysert 18 fyrtårnprøver i utvidet luftveivirusovervåking og av disse er det påvist luftveivirus i 33 % (Figur 6). Siden starten av uke 35 er det analysert 140 prøver (Tabell 3). Rhinovirus har i perioden vært det vanligste funnet og har i det siste ligget rundt 20 % andel positive. SARS-CoV-2 har vært nest vanligst og har blitt påvist i 4 % av prøvene, 6 % i uke 40. Fire influensa A-virus er påvist, de to siste subtypede (uke 38 og 40) har vært A(H1N1). Ett A-virus fra uke 40 er ikke subtypet ennå. Det er påvist få tilfeller med andre luftveivirus i perioden. Forekomsten av influensapåvisninger har vært normal for årstiden (Figur 7).



Figur 6. Antall laboratoriebekreftede luftveivirusinfeksjoner blant fyrtårnprøver fra uke 35 til og med uke 42, samt andel positive for en rekke luftveivirus. Siste ukes data er ukomplette. Kilde: MSIS Laboratoriedatabasen og Nasjonalt influensasenter ved FHI.



Figur 7. Andel influensaviruspositive fyrtårnprøver (2-ukers glidende gjennomsnitt) denne sesongen (fra uke 35/2025, svart linje), sammenlignet med seks foregående sesonger. Siste ukes data er ukomplette. Grunnet testpraksis under covid-19-pandemien var Fyrtårnsystemet ikke operativt i perioden fra våren 2020 til midtvinters 2022. Kilde: MSIS Laboratoriedatabasen og nasjonalt influensasenter.

Tabell 3. Ukentlig antall fyrtårnprøver og andel positive (%) luftveisvirus siden uke 35. Data for siste uke er ikke komplette, og for noen virus kan antall testede være mindre komplett. Kilde: MSIS Laboratoriedatabasen og Nasjonalt influensasenter ved FHI.

Uke	35	36	37	38	39	40	41	42
Antall prøver	15	12	11	26	25	22	11	18
Influenzavirus	7 %	0 %	0 %	4 %	0 %	5 %	0 %	6 %
Influenza A-virus	7 %	0 %	0 %	4 %	0 %	5 %	0 %	6 %
Influenza B-virus	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %
SARS-CoV-2	0 %	0 %	9 %	4 %	4 %	0 %	9 %	6 %
RS-virus	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %
Rhinovirus	47 %	58 %	73 %	50 %	36 %	43 %	18 %	22 %
Parainfluenzavirus	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %
Humant metapneumovirus	0 %	0 %	0 %	4 %	0 %	0 %	0 %	0 %
Korona forkjølelsesvirus	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	0 %	9 %	0 %

Overvåking av virus

Folkehelseinstituttet er WHO nasjonalt influensasenter og nasjonalt referanselaboratorium for både influensa, koronavirus med alvorlig utbruddspotensiale og RS-virus. Referanselaboratoriet overvåker forekomsten av influensavirus og utfører utvidet subtyping og linjebestemmelse av influensavirus som sendes til Folkehelseinstituttet fra primærlaboratoriene eller fra allmennpraktiserende leger i Norge. I tillegg utfører laboratoriet dybdeanalyse av virusgenomet med helgenomsekvensering for å kunne karakterisere virusene ytterligere og undersøke for varianter og spesifikke mutasjoner (Se avsnitt om Virologisk overvåking). Det utføres også resistensanalyser og virusdyrkning og nøytralisasjon for bedre å forstå virusenes egenskaper.

Prøvesvar fra medisinsk-mikrobiologiske laboratorier inngår i den nasjonale MSIS-laboratedatabasen ved Folkehelseinstituttet, som gir dataene om laboratoriebekreftet influensa. Data som er i databasen tirsdag kveld samt ferske subtypingsdata fra referanselaboratoriet blir med i oppsummeringen.

Resultatene i ukerapporten er basert på et datasett fra MSIS-labdatabasen og Nasjonalt influensasenter ved FHI, oppdatert 21 oktober 2026.

Nasjonale overvåkingsdata om luftveivirus er nå tilgjengelig på [FHIs dashboard for luftveisstatistikk](#).

Influenza A(H1N1) pdm09 virus er i denne rapporten benevnt som A(H1N1) eller A(H1). Folkehelseinstituttets influensarapporter til WHO er samlet på FHI.no: [Norske influensa-rapporter til WHO - FHI](#). Tidligere influensasosonger er beskrevet i Folkehelseinstituttets influensa [sesongrapporter](#).

Genetisk karakterisering av luftveivirusene

Forekomst og endringer i virus undersøkes med helgenomsekvensering av prøver som sendes inn gjennom luftveivirus overvåkingssystemene til det aktuelle nasjonale referanselaboratoriet ved Folkehelseinstituttet. Data-uttrekk og analyse for SARS-CoV-2 og influensa gjøres månedlig, for RS-virus noe sjeldnere.

- ECDC hovedkategorier av SARS-CoV-2 varianter ([VOC, VOI og VUM](#))
- ECDC Europaoversikt over luftveivirus overvåkingsresultater: [ERVISS](#)
- Norsk statistikk på SARS-CoV-2 variantforekomst: [FHI Statistikk](#).
- Norsk statistikk på Influenza A H1N1 variantforekomst: [FHI Statistikk](#).
- Norsk statistikk på Influenza A H3N2 variantforekomst: [FHI Statistikk](#).
- Norsk statistikk på Influenza B Victoria variantforekomst: [FHI Statistikk](#).
- Norsk statistikk på RSV A variantforekomst: [FHI Statistikk](#).
- Norsk statistikk på RSV B variantforekomst: [FHI Statistikk](#).

Helgenomsekvenser fra overvåkingen i Norge publiseres månedlig i GISAID databasene EpiCoV, EpiFlu og RS-virus i EpiRSV. Analysetilgang for samlede norske SARS-CoV-2, influensa og RS-virus sekvenser (også sekvenser som ikke er offentlig tilgjengelig gjennom GISAID) er tilgjengeliggjort i Folkehelseinstituttets eget [NextStrain analyserom](#).

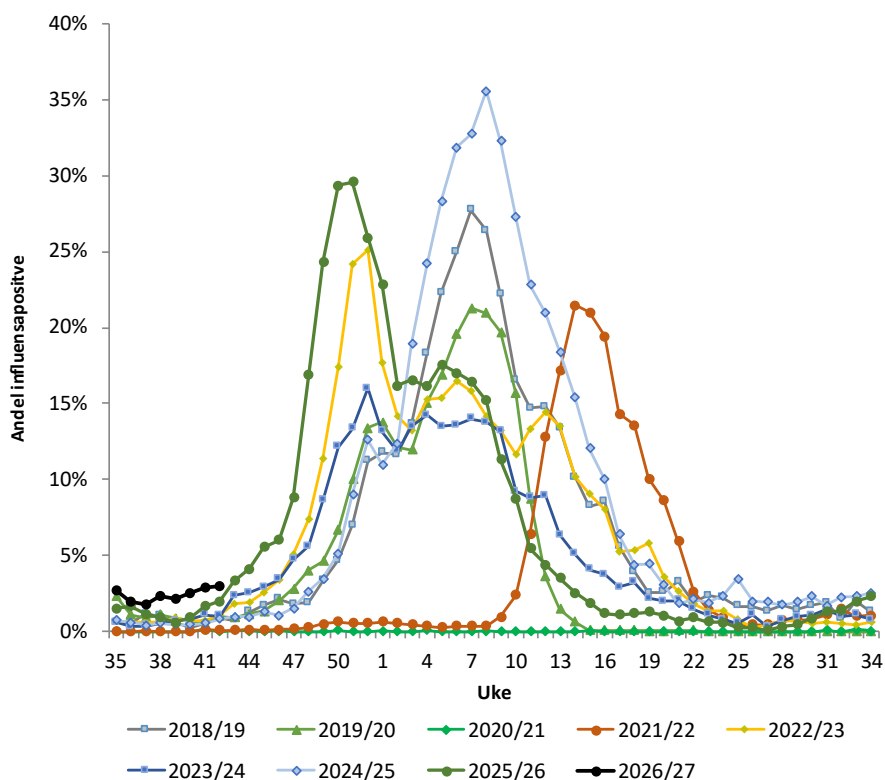
Sirkulerende influensavirus i Norge

Utfyllende rapport til WHO's influensa vaksinemøte i september, om norske influensavirus fram til og med uke 34, er å finne her: [Influenza Virological and Epidemiological season report](#).

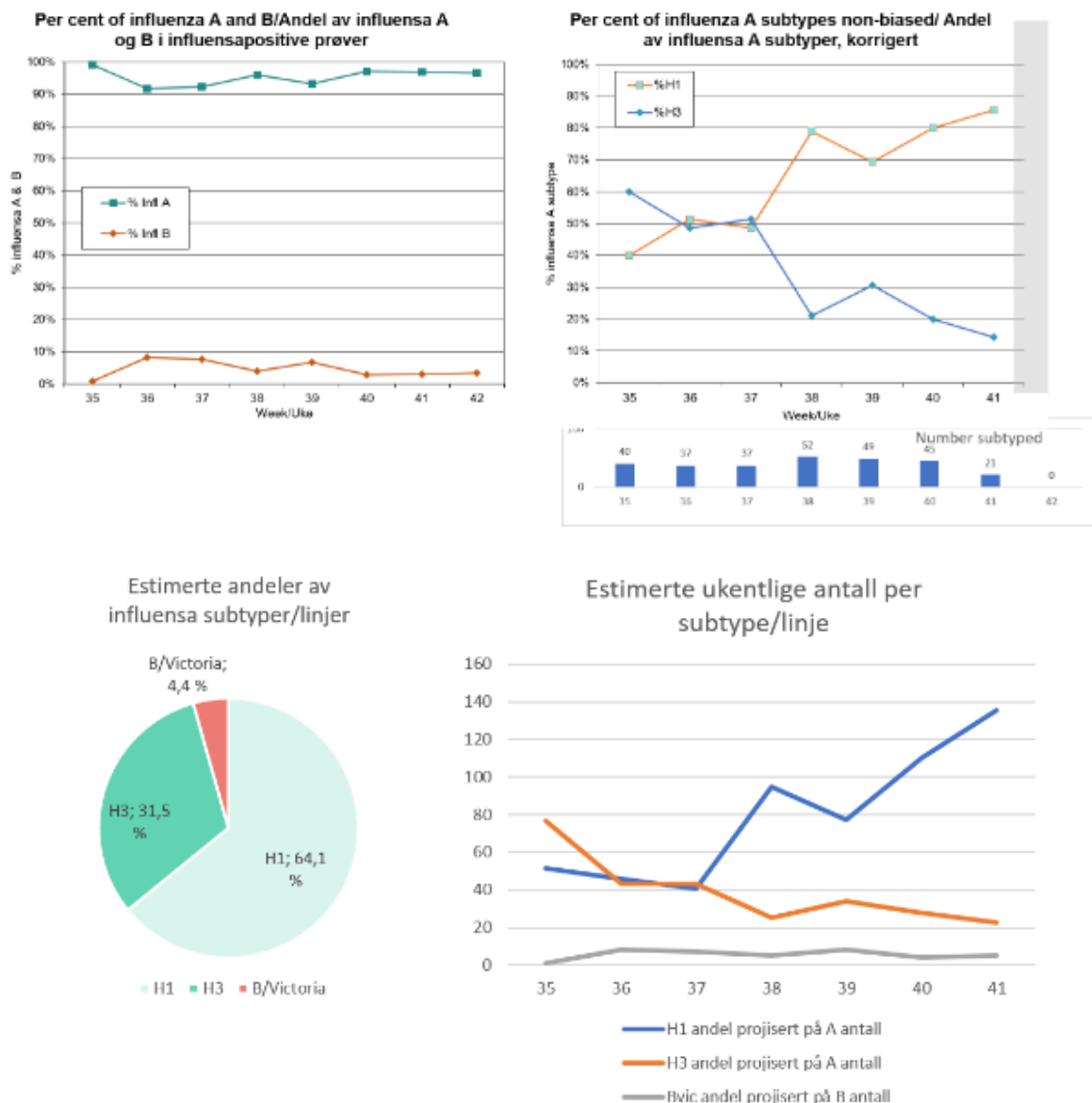
Siden uke 35 som vi har satt som start på overvåkingsperioden, er prøver fra 43 313 pasienter undersøkt for influensavirus.

Forekomsten av påvist influensa har holdt seg meget lav gjennom sommeren og tidlig høst, men noe høyere enn i de foregående sesongene. Andelen influensapositive blant de testede lå i uke 40 på 2,9 % (Figur 8). I perioden er det påvist 994 influensa A-virus, hvorav flertallet av de 281 subtypede har vært subtype H1 (65 %) og resten H3. Av 44 påviste influensa B-virus er foreløpig 11 linjebestemt, alle er B/Victoria-linje virus (Figur 9).

Anslåtte andeler av de tre sirkulerende influensavirusene A(H1N1), A(H3N2) og B/Victoria denne sesongen er gjort ved å multiplisere de ukentlige andelen av influensa A subtyper og influensa B slektslinjer med henholdsvis antall påviste influensa A og B (Figur 9, nederst). I følge en slik beregning er influensa A(H1N1) vanligst (64%), fulgt av A(H3N2) med 32 % og B/Victoria med 4 %.



Figur 8. Ukentlig andel prøver med influensaviruspåvisning nåværende og åtte tidligere sesonger. Kilde: MSIS Laboratoriedatabasen og Nasjonalt influensasenter ved FHI.



Figur 9. Laboratiebekreftede influensatilfeller fra uke 35(2025), andel per type (øvre venstre) og influensa A subtype (øvre høyre). For influensa A subtyper er det sett bort fra prøver som kun er testet for én av subtypeene. Det aller meste av de viste subtypingene er dermed prøver som er oversendt til FHI og undersøkt ved referanselaboratoriet her. Minigrafen under subtypingene viser antallet virus som er subtypebestemt pr uke. Siste ukes subtypedata er særlig ukomplette og kan ha stor geografisk skjevhet. Kakediagrammet nederst viser estimerte andeler for hele sesongen av de tre sirkulerende influensavirusene, beregnet ved at de ukentlige andeler av influensa A subtyper og B slektslinjer er projisert på antallet påviste influensa A og B. Linjediagrammet viser tilsvarende tall fordelt på sesongens uker. Det Kilde: MSIS Laboratedatabasen og Nasjonalt influensasenter ved Folkehelseinstituttet.

Andelen av testede som får påvist influensa er lav i alle deler av landet (Tabell 4). Andelen positive er lav i alle aldersgrupper for influensa A og veldig lav for influensa B (Tabell 5).

Tabell 4. Ukentlig andel (%) positive for influensa av testede pasienter, pr fylke. Kilde: MSIS Laboratoriedatabasen

Uke	Øst-fold	Akers-hus	Oslo	Inn-landet	Buske-rud	Vest-fold	Tele-mark	Agder	Roga-land	Vest-land	Møre og Romsdal	Trønde-lag	Nord-land	Troms	Finn-mark
35	0,9 %	2,3 %	3,4 %	1,2 %	2,2 %	0,9 %	0,0 %	0,8 %	1,9 %	1,7 %	4,3 %	9,8 %	0,4 %	0,5 %	0,0 %
36	0,4 %	2,1 %	2,6 %	1,4 %	1,6 %	0,9 %	0,9 %	1,4 %	1,3 %	2,2 %	0,4 %	3,9 %	2,0 %	0,0 %	0,0 %
37	0,8 %	1,9 %	2,2 %	0,3 %	2,7 %	2,4 %	0,9 %	0,7 %	2,5 %	1,8 %	2,1 %	1,3 %	0,0 %	2,0 %	0,0 %
38	2,0 %	2,6 %	2,6 %	0,6 %	4,5 %	2,8 %	1,0 %	2,9 %	3,0 %	1,6 %	3,1 %	0,6 %	3,0 %	1,1 %	1,4 %
39	0,7 %	2,2 %	1,7 %	2,9 %	1,4 %	1,3 %	2,4 %	0,5 %	3,8 %	1,2 %	3,7 %	1,7 %	2,8 %	1,0 %	1,4 %
40	1,2 %	3,0 %	1,7 %	1,4 %	2,8 %	2,6 %	0,8 %	0,5 %	2,8 %	2,8 %	3,8 %	2,9 %	3,5 %	0,5 %	1,3 %
41	1,4 %	3,4 %	2,3 %	0,9 %	1,0 %	1,2 %	1,6 %	5,1 %	3,8 %	3,8 %	3,8 %	3,2 %	3,8 %	1,0 %	3,9 %
42	1,3 %	3,2 %	3,1 %	3,9 %	2,6 %	2,0 %	0,0 %	4,7 %	3,3 %	2,7 %	4,1 %	3,3 %	2,4 %	1,4 %	1,6 %
Total	1,1 %	2,6 %	2,4 %	1,6 %	2,3 %	1,8 %	1,0 %	2,2 %	2,9 %	2,2 %	3,2 %	3,2 %	2,3 %	1,0 %	1,3 %

Tabell 5. Ukentlig andel (%) positive for henholdsvis influensa A og B av testede pasienter, pr aldersgruppe. Kilde: MSIS Laboratoriedatabasen

Uke	Influensa A						Influensa B					
	0-4	5-14	15-29	30-64	65-79	80+	0-4	5-14	15-29	30-64	65-79	80+
35	1,0 %	1,0 %	8,5 %	1,8 %	0,9 %	0,3 %	0,0 %	0,0 %	0,0 %	0,1 %	0,0 %	0,0 %
36	0,7 %	0,5 %	3,4 %	1,5 %	1,7 %	1,1 %	0,3 %	0,5 %	0,0 %	0,1 %	0,0 %	0,0 %
37	0,6 %	0,0 %	2,1 %	1,7 %	1,2 %	1,9 %	0,3 %	0,0 %	0,0 %	0,2 %	0,1 %	0,0 %
38	0,3 %	2,5 %	1,4 %	2,5 %	2,5 %	2,0 %	0,3 %	0,0 %	0,0 %	0,1 %	0,1 %	0,0 %
39	0,7 %	3,7 %	1,5 %	1,7 %	2,7 %	1,9 %	0,7 %	0,0 %	0,1 %	0,0 %	0,0 %	0,0 %
40	2,1 %	1,1 %	1,7 %	2,5 %	2,8 %	2,3 %	0,0 %	0,0 %	0,1 %	0,1 %	0,0 %	0,0 %
41	1,7 %	1,9 %	2,8 %	2,5 %	3,3 %	3,4 %	0,0 %	0,0 %	0,0 %	0,1 %	0,1 %	0,0 %
42	1,8 %	3,3 %	2,2 %	3,0 %	3,0 %	2,7 %	0,0 %	0,0 %	0,5 %	0,1 %	0,0 %	0,0 %
Total	1,2 %	1,7 %	3,0 %	2,2 %	2,3 %	2,0 %	0,2 %	0,1 %	0,1 %	0,1 %	0,0 %	0,0 %

Genetisk karakterisering av influensavirus

Virusene karakteriseres for å undersøke hvilke undergrupper av virus som sirkulerer i Norge, hvordan virusene sprer seg, om virusene passer med vaksinen og om det oppstår resistensmutasjoner mot antiviralia for behandling. Interaktive fylogenetiske sammenstillinger av norske virus som er sekvensert er tilgjengelig i FHIs egen Nextstrain portal: <https://nextstrain.org/groups/niph> og andre genetiske karakteriseringsdata er tilgjengelig i FHIs egen statistikk nettside: <https://statistikk.fhi.no/ngs/>.

Data fra forrige sesong er tilgjengelige her: [Influenza Virological and Epidemiological season report](#) og [Luftveisinfeksjoner i Norge: Sesongen 2025-2026](#)

Så langt i 2026/27-sesongen har vi sekvensert 123 influensavirus: 75 A/H1N1, 45 A/H3N2, og tre B/Victoria.

A/H1N1-virus

Alle A/H1N1-influenzavirus som er karakterisert i løpet av 2026/27-sesongen, har tilhørt klade 6B.1A.5a.2a.1 og subklade D.3.1.1, som har sirkulert siden våren/sommeren 2026, og som kjennetegnes av nøkkelsubstitusjonene A139D, E283K og K302E. De nyeste H1N1-virusene tilhører også subklade D.3.1.1 og har én eller flere av tilleggssubstitusjonene D139N, G155E og V152I i hemagglutinin (HA1).

A/H1-vaksinekomponenten for vintersesongen 2026/27 på den [nordlige halvkule](#) er oppdatert og basert på et A/Missouri/11/2025-lignende A(H1N1)pdm09-virus i subklade D.3.1. Verdens helseorganisasjon (WHO) har videreført den samme A/H1-vaksinekomponenten for den [sørlige halvkules](#) influensasesong 2027, ettersom denne viser god antigenisk gjenkjennelse av de fleste nyere D.3.1- og D.3.1.1-variantene.

A/H3N2-virus

I løpet av influensasesongen 2026/27 har det kun sirkulert A/H3N2-virus som tilhører klade 3C.2a1b.2a.2a.3a.1, subklade K. Disse virusene kjennetegnes blant annet av nøkkelsubstitusjonene T135K og K189R i hemagglutinin. De nyeste H3N2-virusene har ingen ytterligere aminosyresubstitusjoner i HA sammenlignet med subklade K, som oppstod og ble dominerende forrige sesong. Det er imidlertid observert enkelte tilleggssubstitusjoner i neuraminidase, blant annet A82T og K199T.

A/H3-vaksinekomponenten for vintersesongen 2026/27 på den [nordlige halvkule](#) er oppdatert og basert på et A/Darwin/1454/2025-lignende A(H3N2)-virus i subklade K (J.2.4.1). Verdens helseorganisasjon (WHO) har videreført de samme A/H3-vaksinekomponentene for den [sørlige halvkules](#) influensasesong 2027, ettersom disse viser bedre antigenisk gjenkjennelse av de nyere J.2.4.2- og K-variantene.

B/Victoria-virus

Så langt denne sesongen er det kun blitt sekvensert tre influensa B/Victoria-virus, og disse tilhørte kladen V1A.3a.2 med subkladen C.5.6 (Tabell 6).

WHO på sitt [vaksinemøte i februar 2026 besluttet å oppdatere vaksinekomponenten](#) for B/Victoria for den nordlige halvkule for sesongen 2026/27 til et representativt virus fra subklade C.3.1 (B/Tokyo/EIS13-176/2025-liknende). Denne endringen vil gi bedre dekning av den mer antigenisk forskjellige C.3.1-subkladen, samtidig som den opprettholder god dekning av C.5 subvariantene.

Tabell 6. Genetisk karakteriserte influensa A og B virus fra Uke 35 2026, klade og subklade. Kilde: Nasjonalt influensasenter ved Folkehelseinstituttet.

WHO/ECDC kategori	Klade	Subklade	aug-2026	sep-2026	okt-2026	Total
A/H1N1	-	-	17	52	6	75
genAH1/Missouri/11/2025	6B.1A.5a.2a.1	D.3.1.1	17 (100%)	52 (100%)	6 (100%)	75
A/H3N2	-	-	25	19	1	45
genAH3/Norway/8765/2025	3C.2a1b.2a.2a.3a.1	K	25 (100%)	19 (100%)	1 (100%)	45
B/Victoria	-	-	0	3	0	3
genBVicB/Switzerland/329/2024	V1A.3a.2	C.5.6	0 (0.0%)	3 (100%)	0 (0.0%)	3

Du kan finne hele tabellen ved å besøke følgende lenke: <https://statistikk.fhi.no/>

Sirkulerende SARS-CoV-2 i Norge

XFG-varianten har vært dominerende blant sekvenserte SARS-CoV-2-virus i Norge gjennom sensommeren og høsten 2026, med en økning fra 38 % i august til 60 % i september. XFG er en rekombinant av LF.7 og LP.8.1.2 og har flere mutasjonsendringer, blant annet F456L, Q493E og R346T. NB.1.8.1 og underlinjen PQ.16.1.1 har fortsatt å sirkulere, men deres samlede andel gikk ned fra 30 % i august til 15 % i september. Verdens helseorganisasjon (WHO) klassifiserte PQ.16.1.1 som en variant under overvåking (VUM) i juli 2026. BA.3.2 ikke ble påvist i august eller september 2026.

Månedlige variantdata er også tilgjengelige på Folkehelseinstituttets statistiksider: [FHI Statistikk](#) mens fylogenetiske analyser og visualiseringer finnes på [Nextstrain](#).

Resistens mot antivirale midler

Influensasenteret (referanselaboratoriet/WHO Nasjonalt influensasenter) ved Folkehelseinstituttet overvåker følsomhet hos influensavirus for aktuelle antivirale legemidler. Særlig har man årvåkenhet for eventuell resistens mot oseltamivir (Tamiflu®).

Råd om antiviral behandling: [Bruk av legemidler til behandling og forebygging av influensa](#).

Folkehelseinstituttet følger med på resistens mot antiviralia for SARS-CoV-2, men det undersøkes per nå ikke rutinemessig.

For analyser av legemiddelresistens hos SARS-CoV-2 benytter vi [Stanfords Coronavirus Antiviral & Resistance Database \(CoVDB\)](#) over resistensassosierte mutasjoner. For influensavirus benytter vi WHO's oversikter over mutasjoner i [neuraminidase \(NA\)](#) assosiert med redusert følsomhet eller resistens mot oseltamivir og zanamivir, samt tilsvarende oversikter for [polymeraseproteinet PA](#) knyttet til baloxavir marboxil.

Influensavirus

Så langt denne sesongen er 75 A/H1N1-, 45 A/H3N2- og 3 B/Victoria-influensavirus undersøkt genetisk for mutasjoner assosiert med redusert følsomhet eller resistens mot antivirale legemidler. Ingen av virusene hadde mutasjoner assosiert med redusert følsomhet eller resistens mot oseltamivir, zanamivir eller baloxavir marboxil.

SARS-CoV-2

Majoriteten av omikron-variantene som sirkulerer nå (XFG, NB.1.8.1 og PQ.16.1.1) er, basert på mutasjonsprofilene, resistente mot monoklonal antistoffbehandling med Evusheld® (tixagevimab/cilgavimab). I tillegg viser noen av disse variantene resistens mot bebtelovimab (grad av resistens kan avhenge av mutasjonsprofil), men ingen resistens er funnet mot Paxlovid (nirmatrelvir/ritonavir). Resistens får konsekvenser for behandlingsmuligheter av alvorlig syke og fremhever behovet for tilgjengelige antiviralia for behandling.

Les mer om resistensovervåkingen for forrige sesong her: [Influenza Virological and Epidemiological season report](#) og [Usage of Antivirals and the Occurrence of Antiviral Resistance in Norway 2025](#), [Luftveisinfeksjoner i Norge: Sesongen 2025-2026](#)

Varsel om utbrudd av luftveisinfeksjon

Utbrudd av smittsom sykdom i helseinstitusjoner er varslingspliktig etter MSIS-forskriften § 3-4. Varslingen skjer gjennom FHIs utbruddsvarslingssystem, Vesuv. Det reelle antallet utbrudd i helseinstitusjoner er trolig høyere enn det som oppgis under, fordi ikke alle utbrudd varsles tross varslingsplikt.

Resultatene er basert på et datasett fra Vesuv oppdatert 20. oktober 2026.

Tabell 7. Varsler om utbrudd av luftveisinfeksjon siste uke og totalt siden sesongstart uke 35 (2026). Kilde: Vesuv, Folkehelseinstituttet.

Antatt smittestoff	Uke 42 (2026)			Totalt fra og med uke 35 (2026)		
	Totalt antall varslede utbrudd	Antall varsler fra helseinstitusjon	Totalt antall syke	Totalt antall varslede utbrudd	Antall varsler fra helseinstitusjon	Totalt antall syke
<i>Bordetella pertussis</i>	0	0	0	3	1	11
Influenzavirus	0	0	0	2	2	15
Rhinovirus	0	0	0	1	1	2
SARS-CoV-2	0	0	0	3	3	30

Sykehusinnleggelser

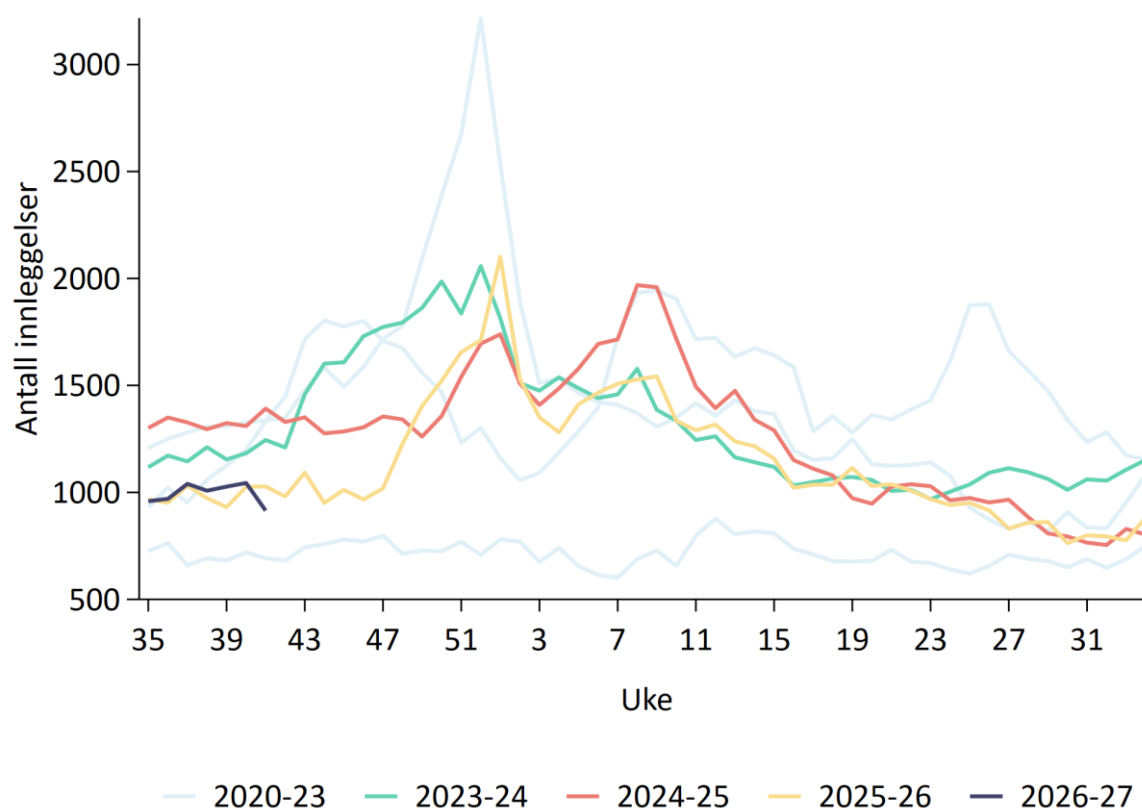
Fra og med vintersesongen 2025/26 er overvåkingen av sykehusinnleggelser med luftveisinfeksjoner basert på data fra Norsk pasientregister (NPR) med informasjon om diagnosekoder for akutte luftveisinfeksjoner som registreres i sykehusenes journalsystemer. ICD-10-diagnosekodene inkludert i overvåkingen er J00 og J02-J06 (akutte øvre luftveisinfeksjoner), J09-J22 (influenza, pneumoni, bronkitt, bronkiolitt og andre nedre luftveisinfeksjoner), J44.0 (kronisk obstruktiv lungesykdom med akutt infeksjon i nedre luftveier), U07.1 og U07.2 (covid-19) og A37 (kikhoste). Diagnosekodene settes senest ved utskrivelse, og det er derfor en viss forsinkelse i dataene. Tallene for siste uke er av denne årsak ikke inkludert. Tallene blir etterjustert. Innleggelser registrert som døgnopphold eller dagbehandling er inkludert i overvåkingen. Alle innleggelser som er registrert med minst to dager mellom telles som nye innleggelser. Det betyr at en person som har blitt innlagt flere ganger, kan telles flere ganger.

Overvåkingen av sykehusinnleggelser med covid-19, influensa og respiratorisk syncytial (RS-)virusinfeksjon baserer seg på samme system. Diagnosekoder for akutte luftveisinfeksjoner beskrevet over kobles til positive PCR-prøvesvar for SARS-CoV-2, influensavirus og RSV fra MSIS-laboratoriedatabase. For å få et mer rettidig bilde av nye innleggelser med covid-19, influensa og RS-virusinfeksjon i de siste ukene, oppgis også sykehusinnlagte med laboratoriebekreftet SARS-CoV-2-, influensavirus- og RS-virusinfeksjon hvor det ennå ikke er registrert diagnose i pasientjournalsystemet. Tallene blir etterjustert når registreringsgraden øker.

I tilfelle dataene fra NPR ikke er tilgjengelig eller hvis de er ukomplette, kan sykehusinnleggelser med spesifikke luftveisinfeksjoner også overvåkes ved hjelp av data fra MSIS-laboratoriedatabase alene. Rekvirentinformasjon registrert for hver prøve brukes for å identifisere prøver tatt fra pasienter som var innlagt på sykehus på prøvetakingstidspunktet. Positive prøver for SARS-CoV-2, influensavirus og RS-virus blant sykehusinnlagte pasienter overestimerer det reelle antallet sykehusinnleggelser noe i perioder med høy forekomst, men de kan brukes til å følge med på trender.

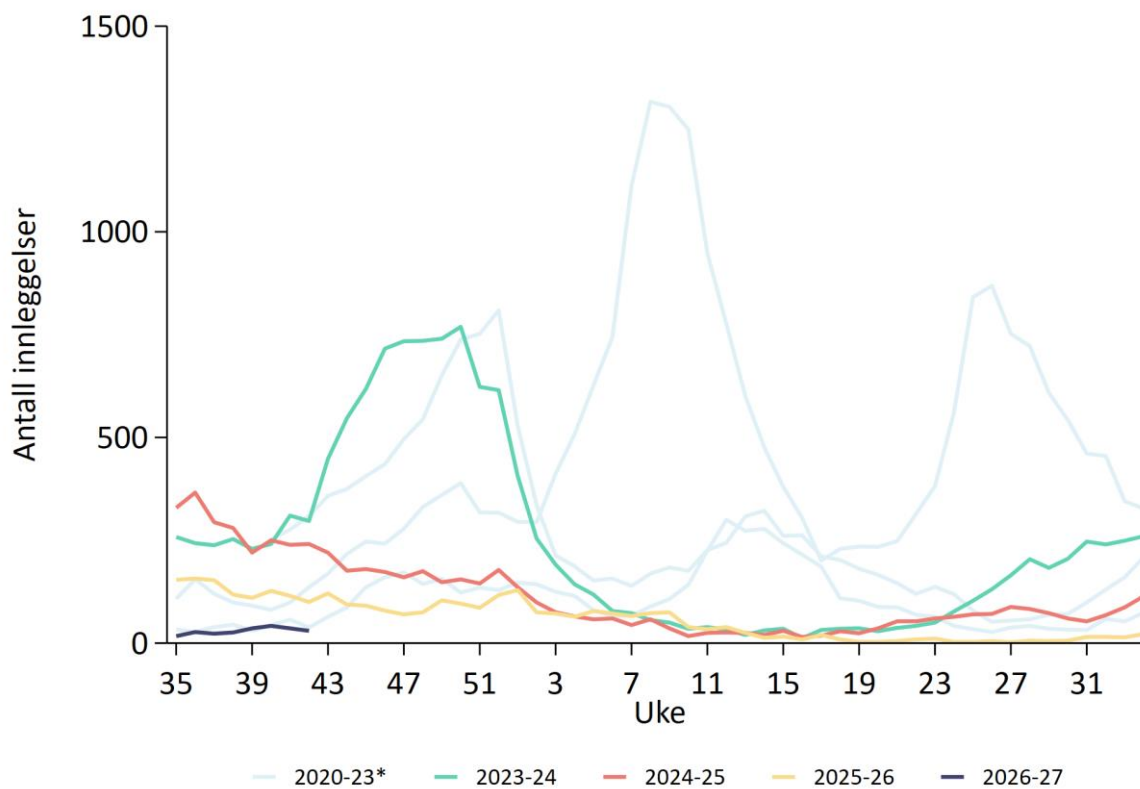
Dataene presentert her er basert på et datasett fra NPR oppdatert 20. oktober 2026 og MSIS-labdatabasen oppdatert 21. oktober 2026.

Innleggelser med luftveisinfeksjon



Figur 10. Antall innleggelser med luftveisinfeksjon per uke og sesong, 24.08.2020 – 11.10.2026. Kilde: Norsk pasientregister og MSIS-labdatabasen via Stat19.

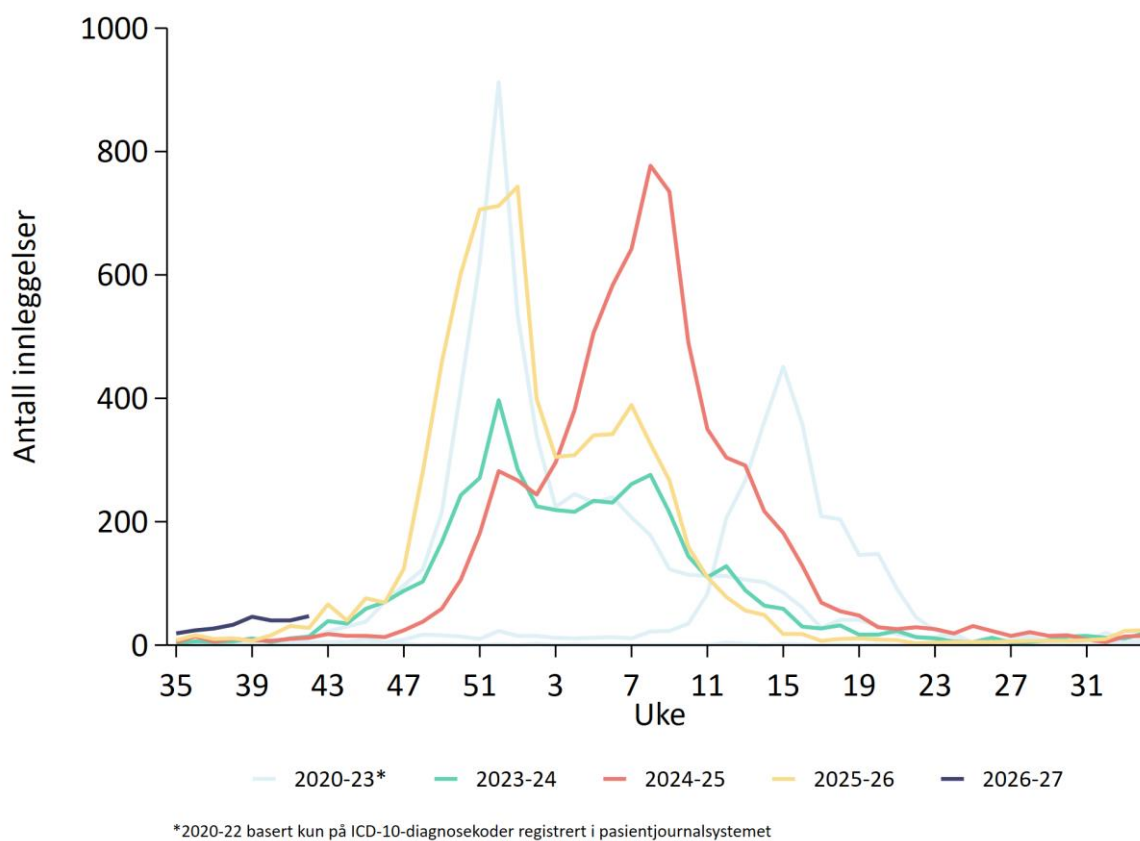
Innleggelser med covid-19



*2020-22 basert kun på ICD-10-diagnosekoder registrert i pasientjournalssystemet

Figur 11. Antall innleggelser med covid-19 per uke og sesong, 24.08.2020 – 18.10.2026. Kilde: Norsk pasientregister og MSIS-labdatabasen via Stat19.

Innleggelser med influensa



Figur 12. Antall innleggelser med influensa per uke og sesong, 24.08.2020 – 18.10.2026. Kilde: Norsk pasientregister og MSIS-laboratoriedatabase via Stat19.

Dødelighet

Dødsfall uansett årsak

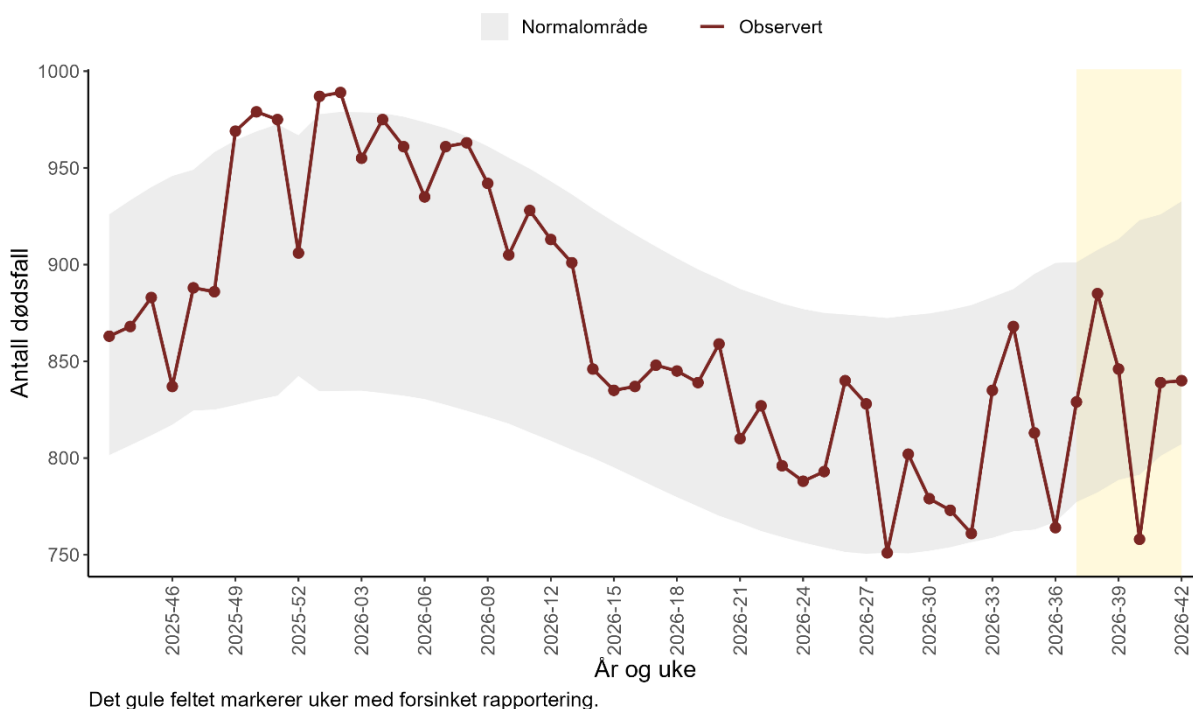
Totalt antall dødsfall per uke sammenlignes med et forventet nivå beregnet ved hjelp av EuroMOMO-modellen. Det forventede nivået er basert på antall dødsfall i Norge de siste fem foregående årene, der pandemiårene 2020–2022 er utelatt. For 2026 er referanseårene 2018–2019 og 2023–2025.

Antall dødsfall varierer naturlig fra uke til uke. Normalområdet er intervallet antall dødsfall forventes å ligge innenfor når det ikke foreligger uvanlige hendelser. Uker med flere dødsfall enn øvre grense for normalområdet regnes som overdødelighet. [Les mer om overvåkingen av totalt antall dødsfall.](#)

Resultatene er basert på data fra Dødsårsaksregisteret og SSBs statistikkbank, tabell 07459, oppdatert 21. oktober 2026.

Utvikling over tid

Figur 13 viser ukentlig antall dødsfall sammenlignet med normalområdet. Det har vært kortvarige svingninger i dødeligheten de siste ukene. I uke 42 var antall dødsfall innenfor normalområdet for denne tiden av året. Tallene for de siste seks ukene er foreløpige og vil bli justert etter hvert som flere dødsfall blir registrert.



Figur 13. Observert antall dødsfall per uke, uke 42 2025 til uke 42 2026. Det lyseblå feltet viser normalområdet basert på EuroMOMO-modellen. Tallene i det gule feltet er foreløpige på grunn av forsinket registrering. Merk at y-aksen er trunkert og starter på 750. Kilde: Dødsårsaksregisteret og SSBs statistikkbank, tabell 07459.

Antall dødsfall per uke

Tabell 8 viser ukentlig antall dødsfall de siste fire ukene. Alle tall er foreløpige og vil øke noe etter hvert som flere dødsfall registreres.

Tabell 8. Antall dødsfall, dødsfall per 100 000 innbyggere, prosentvis endring fra uken før og medianalder, uke 39-42 2026. Tallene er foreløpige. Kilde: Dødsårsaksregisteret og SSBs statistikkbank, tabell 07459.

Indikator	Uke 39	Uke 40	Uke 41	Uke 42*
Antall dødsfall	846	758	839	840
Antall dødsfall per 100 000	15,0	13,5	14,9	14,9
Endring fra uken før (%)	-4,4	-10,4	10,7	0,1
Medianalder	82 år	82 år	82 år	83 år

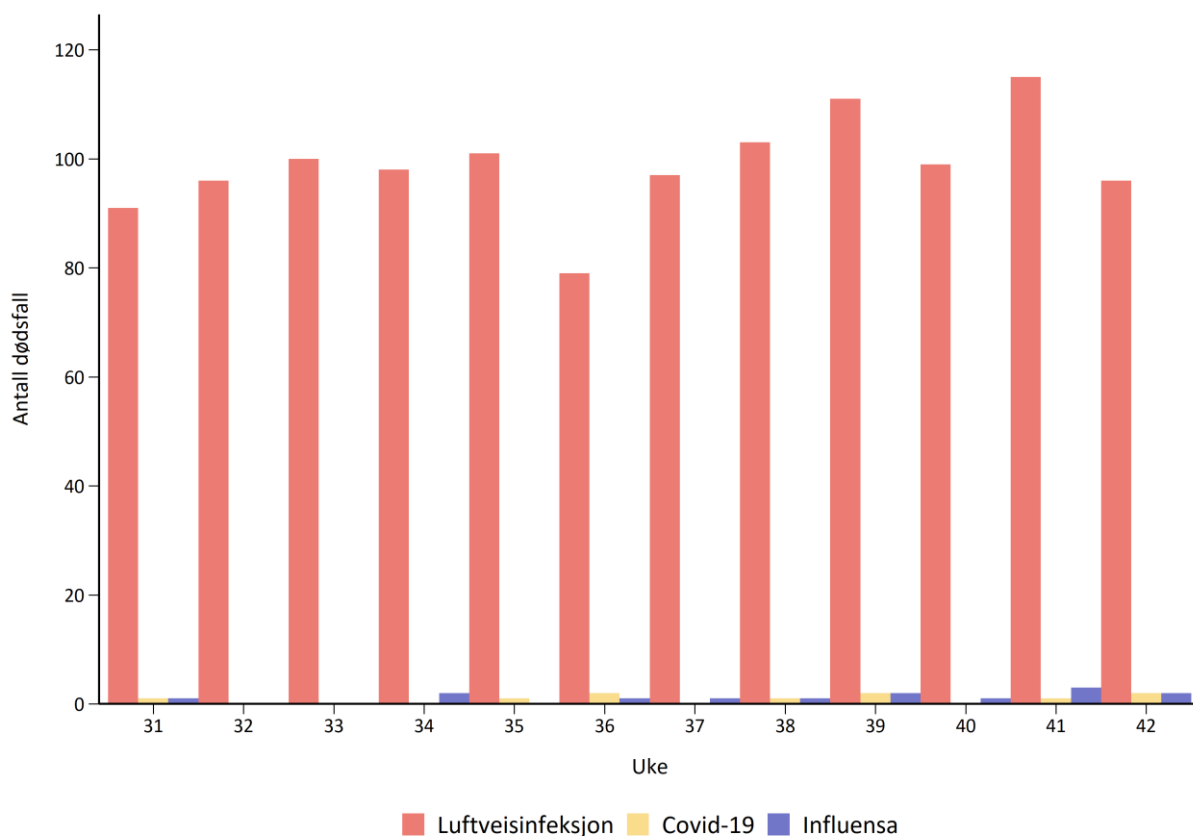
*Tallene for uke 42 er særlig ufullstendige på grunn av forsinket registrering, og antallet vil trolig øke når flere dødsfall blir registrert.

Dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon, inkludert covid-19 og influensa

Dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon overvåkes gjennom Dødsårsaksregisteret og defineres som dødsfall hvor minimum én av følgende diagnosekoder er satt som underliggende eller medvirkende dødsårsak på dødsattesten: J00, J02-J06 (akutte øvre luftveisinfeksjoner), J09-J22 (influensa, pneumoni, bronkitt, bronkiolitt og andre nedre luftveisinfeksjoner), J44.0 (KOLS med akutt nedre luftveisinfeksjon), U07.1, U07.2, U09.9, U10.9 (covid-19) og A37 (kikhoste). Influensa-assosierte dødsfall defineres som dødsfall hvor minimum én av følgende diagnosekoder er satt som underliggende eller medvirkende dødsårsak på dødsattesten: J09, J10 og J11. Covid-19 assosierte dødsfall defineres som dødsfall hvor minimum én av følgende diagnosekoder er satt som underliggende eller medvirkende dødsårsak på dødsattesten: U07.1, U07.2, U09.9, U10.9.

Det er usikkerhet knyttet til hvor mye en angitt dødsårsak på en dødsattest faktisk har bidratt til dødsfallet som meldes. Tallene som oppgis, spesielt for siste uke, vil ofte justere seg grunnet etterregistreringer. Flere av de angitte diagnosekodene, som for eksempel influensa og covid-19, benyttes oftest dersom det foreligger laboratoriepåvisning som bekrefter diagnosen. Det antas derfor at det er individer som dør av eller med disse tilstandene som får mer uspesifikke diagnosekoder på dødsattesten i fravær av laboratoriebekreftelse. På grunn av mer utbredt testing for SARS-CoV-2 er det også sannsynlig at influensa-assosierte dødsfall i større grad underrapporteres sammenlignet med covid-19-dødsfall.

Resultatene er basert på data fra Dødsårsaksregisteret og Folkeregisteret i Stat19 per 21. oktober 2026.



Figur 14. Antall dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon, covid-19- og influensa per uke (27.07.2026 - 18.10.2026). Covid-19- og influensaassosierte dødsfall inngår i luftveisinfeksjonsgruppen. Kilde: Dødsårsaksregisteret og Folkeregisteret via Stat19.

Tabell 9. Antall dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon, covid-19- og influensa per uke siste 12 uker (27.07.2026 - 18.10.2026). Covid-19- og influensaassosierte dødsfall inngår i luftveisinfeksjonsgruppen. Kilde: Dødsårsaksregisteret og Folkeregisteret via Stat19.

Indikator	Uke											
	29	30	31	32	33	34	35	36	37	38	39	40
Antall dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon	91	96	100	98	101	79	97	103	111	99	115	96
Antall dødsfall assosiert med covid-19	1-4	0	0	0	1-4	1-4	0	1-4	1-4	0	1-4	1-4
Antall dødsfall assosiert med influensa	1-4	0	0	1-4	0	1-4	1-4	1-4	1-4	1-4	1-4	1-4

Vaksinasjon mot covid-19 og influensa

Vaksinasjon mot covid-19 og influensa vil fra og med høsten 2025 inngå i det nye nasjonale [Voksenvaksinasjonsprogrammet](#). Statistikk om vaksinasjon fra FHI er også tilgjengelig [her](#).

Vaksinasjonsdekning i befolkningen

Data om vaksinasjon mot covid-19 og influensa inkluderer personer med fødselsnummer og status som bosatt i henhold til siste tilgjengelige versjon av Folkeregisteret. Alder er presentert per hele årskull, dvs. alder på vaksinerte er angitt per 31. desember 2026 (det vil si alder for sesongen 2026/27).

Resultatene er basert på data fra SYSVAK og Folkeregisteret via Stat19 per 21. oktober 2026.

Høstens vaksinasjon mot influensa og covid-19 er forsinket sammenlignet med fjoråret. Dette skyldes forsinkelse i levering av influensavaksine til vaksinasjonsprogrammet. Siden det er lagt opp til stor grad av samvaksinerings med disse to vaksinene, påvirker det også vaksineringsen mot covid-19. Hovedutsendingen av influensavaksiner til programmet er i perioden uke 43-46, noe som er tre uker senere enn vanlig. Apotekene har mottatt vaksine til privatmarkedet og det har derfor likevel vært noe vaksinerings mot influensa.

Vaksinasjonen mot covid-19: Per 18. oktober er ~4 400 personer av befolkningen 75 år og eldre vaksinert mot covid-19, og totalt er ~7 070 personer i alle aldre vaksinert siden starten av uke 35(2026). Dette utgjør en dekning på 0,8 % i aldersgruppen 75+, noe som er 10 prosentpoeng lavere enn i fjor på samme tid.

Vaksinasjonen mot influensa: Per 18. oktober er ~106 100 personer vaksinert denne sesongen, deriblant ~53 950 blant personer 65 år og eldre. Vaksinasjonsdekningen nasjonalt blant personer over 65 år er per 18. oktober anslått til 5 %. Dette er 14 prosentpoeng lavere enn i fjor på samme tid.

Tabell 10. Antall og andel vaksinerte (personer med fødselsnummer og status som bosatt) etter alder og risikogruppe, 24.08.2026 - 18.10.2026. Kilde: Folkeregisteret og SYSVAK via Stat19.

Sykdom	Alder (år)	Andel (%) vaksinerte personer
Covid-19	0-8	< 0.01 %
	9-17	< 0.01 %
	18-64	0,03 %
	65-74	0,3 %
	65+	0,6 %
	75+	0,8 %
Influensa	0-8	0,04 %
	9-17	0,05 %
	18-64	1 %
	65+	5 %

Luftveisinfeksjoner globalt

Aktuelle lenker

- **Felles om forekomst av luftveisinfeksjoner i Europa**

Det europeiske smittevernbyrået (ECDC) og Verdens helseorganisasjon (WHO) europakontor om luftveisinfeksjoner i Europa: <https://erviss.org/>

- **Covid-19**

Verdens helseorganisasjon (WHO) om Covid-19: <https://covid19.who.int/>

- **Influenza**

WHOs influensa-sider: https://www.who.int/health-topics/influenza-seasonal#tab=tab_1

Det europeiske smittevernbyråets (ECDC) influensa-sider: <https://ecdc.europa.eu/en/seasonal-influenza>

Om overvåkingssystemene og datakildene

Konsultasjoner ved legekontor og legevakt (NorSySS)

Det norske syndrom-overvåkingssystemet (NorSySS) er et overvåkingssystem for infeksjonssykdommer basert på diagnosekoder gitt ved konsultasjoner hos allmennpraktiserende leger og legevakt. NorSySS henter data fra KUHR (Kontroll og utbetaling av helserefusjon) systemet som er eid av Helsedirektoratet, og administrerer refusjonskrav fra helsepersonell og institusjoner til staten (HELFO). NorSySS bruker ICPC-2 koder for fastsettelse av årsak til kontakt med helseinstitusjon. ICPC-2 kodesystemet er utviklet av World Organization of Family Doctors og formelt anerkjent av WHO.

Meldingssystem for smittsomme sykdommer (MSIS)

Meldingssystem for smittsomme sykdommer (MSIS) er det nasjonale overvåkingssystemet for smittsomme sykdommer. MSIS har en registerdatabase og en laboratedatabase. MSIS-registeret inneholder mikrobiologisk informasjon fra laboratoriene og epidemiologisk informasjon meldt fra legene om alle meldingspliktige smittsomme sykdommer i Norge. MSIS-Labdatabasen inneholder alle mikrobiologiske prøvesvar rapportert fra medisinske laboratorier i Norge. Les mer om MSIS, formål og meldingsplikt [på våre nettsider](#).

Sentinel Fyrtårnsystemet – Integrert overvåking av luftveisvirusinfeksjoner i primærhelsetjenesten

Fyrtårnsystemet er et geografisk representativt sentinel-basert overvåkingssystem som har vært drevet av Avdeling for virologi på FHI siden tidlig på 1980-tallet i Norge. Systemet baserer seg på et nettverk av allmennpraktiserende leger som på klinisk indikasjon ber om utvidede analyser for påvisning av et bredt spekter av luftveisvirus. Alle prøver blir dermed som minimum testet for SARS-CoV-2, influensavirus og RS-virus og også i tillegg for en rekke andre luftveisvirus. Det innsamles også en rekke kliniske data på samtlige prøver. Les mer [om overvåkingssystemet for influensa på våre nettsider](#).

Virologisk overvåking

FHI har nasjonal referansefunksjon for både influensa (også WHO nasjonalt influensasenter), for coronavirus med alvorlig utbruddspotensiale og nå også for RS-virus. Disse referansefunksjonene ligger hos Seksjon for influensa og andre luftveisvirus ved Avdeling for virologi. Medisinsk-mikrobiologiske laboratorier sender ukentlig inn både et geografisk representativt og et mer målrettet utvalg av SARS-CoV-2, influensa og RS-virus-positive prøver til referanselaboratoriet ved FHI for nasjonal virusovervåking. Mer informasjon for hvert av virusene tilgjengelig via FHI.no laboratorieanalyser og i FHI.labfag.no:

- [Influensa](#)
- [SARS-CoV-2](#)
- [Påvisning og overvåking av SARS-CoV 2-virusvarianter](#)
- [RS-virus](#)
- [Overvåkingssystemet for influensa](#)

For influensavirus kombinerer referanselaboratoriet data fra MSIS labdatabasen med egne utvidede typings- og karakteriseringsresultater, og formidler slike data i nasjonal og internasjonal overvåking.

Referanselaboratoriet gjør helgenomsekvensering, virusdyrkning og virusnøytralisasjon på prøvene for å kunne forstå pandemiens og influensa epidemiens forløp og egenskaper til nye virusvarianter. Virussekvensene sees i sammenheng med metadata som kan bidra til utbruddsopklaring og pandemiforståelse. I tillegg undersøkes immuniteten mot covid-19 og influensa i befolkningen årlig gjennom seroepidemiologiske undersøkelser.

Dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon, inkludert covid-19 og influensa

Dødsfall assosiert med luftveisinfeksjon overvåkes gjennom Dødsårsaksregisteret, og defineres som dødsfall hvor minimum én av følgende diagnosekoder er satt som underliggende eller medvirkende dødsårsak på dødsattesten: J00, J02-J06 (akutte øvre luftveisinfeksjoner), J09-J22 (influensa, pneumoni, bronkitt, bronkiolitt og andre nedre luftveisinfeksjoner), J44.0 (KOLS med akutt nedre luftveisinfeksjon), U07.1, U07.2, U09.9, U10.9 (covid-19) og A37 (kikhoste). Influensa-assosierte dødsfall defineres som dødsfall hvor minimum én av følgende diagnosekoder er satt som underliggende eller medvirkende dødsårsak på dødsattesten: J09, J10 og J11. Covid-19 assosierte dødsfall defineres som dødsfall hvor minimum én av følgende diagnosekoder er satt som underliggende eller medvirkende dødsårsak på dødsattesten: U07.1, U07.2, U09.9, U10.9.

Nasjonalt vaksinasjonsregister (SYSVAK)

SYSVAK er et landsdekkende elektronisk vaksinasjonsregister. Formålet med SYSVAK er å holde oversikten over vaksinasjonsstatus for den enkelte og over vaksinasjonsdekningen i landet. Folkehelseinstituttet er dataansvarlig for SYSVAK (jfr. SYSVAK-registerforskriften § 1-5). Alle vaksinasjoner er meldepliktige til SYSVAK, og krav til elektronisk registrering av covid-19 vaksiner ble vedtatt 21. mai 2020. Les mer om SYSVAK [på våre nettsider](#).

Tallene fra SYSVAK som vises på FHI statistikk og i KoSy (Kommunens sykdomsoversikt for kommuneoverleger) og tallene i statusrapporten hentet fra Stat19 vil kunne være ulike. Dette skyldes at SYSVAK berikes med folkeregisteropplysninger fra Persontjenesten/Grunndata, mens Stat19 bruker opplysninger fra siste tilgjengelig versjon av Folkeregisteret hos Folkehelseinstituttet ('FHIs gamle folkeregister'). Begge kildene bruker 'FHIs gamle folkeregister' som nevner, så befolkningsgrunnlaget for både SYSVAK og Stat19 er like. Løpende vaksinasjonsstatistikk vil kunne variere fra dag til dag, og må derfor betraktes som et estimat for den faktiske dekningen.

Utbrudd av covid-19, influensa og andre luftveisagens i helseinstitusjoner (Vesuv)

Utbrudd av smittsom sykdom i helseinstitusjoner er varslingspliktig etter [MSIS-forskriften § 3-4](#). Dette gjøres gjennom Folkehelseinstituttets utbruddsvarslingssystem, [Vesuv](#). Tross varslingsplikt er det sannsynligvis en betydelig underrapportering.

Sykehusinnleggelser

F.o.m. vintersesongen 2025/26 utføres overvåkingen av sykehusinnleggelser med luftveisinfeksjoner i [Stat19](#). Overvåkingen er basert på data fra Norsk pasientregister (NPR) med informasjon om diagnosekoder for akutte luftveisinfeksjoner som registreres i sykehusenes journalsystemer. ICD-10-diagnosekodene inkludert i overvåkingen er J00 og J02-J06 (akutte øvre luftveisinfeksjoner), J09-J22 (influensa, pneumoni, bronkitt, bronkiolitt og andre nedre luftveisinfeksjoner), J44.0 (kronisk obstruktiv lungesykdom med akutt infeksjon i nedre luftveier), U07.1 og U07.2 (covid-19) og A37 (kikhoste). Diagnosekodene settes senest ved utskrivelse, og det er derfor en viss forsinkelse i

dataene. Tallene for siste uke er av denne årsak ikke inkludert. Tallene blir etterjustert. Innleggelser registrert som døgnopphold eller dagbehandling er inkludert i overvåkingen. Alle innleggelser som er registrert med minst to dager mellom telles som nye innleggelser. Det betyr at en person som har blitt innlagt flere ganger, kan telles flere ganger.

Overvåkingen av sykehusinnleggelser med covid-19, influensa og respiratorisk syncytial (RS) virusinfeksjon baserer seg på overvåkingssystemet for sykehusinnleggelser med luftveisinfeksjon. Diagnosekoder for akutte luftveisinfeksjoner beskrevet over kobles til positive PCR-prøvesvar for SARS-CoV-2, influensavirus og RSV fra MSIS-laboratoriedatabase. For å få et mer rettidig bilde av nye innleggelser med covid-19, influensa og RS-virusinfeksjon i de siste ukene, oppgis også sykehusinnlagte med laboratoriebekreftet SARS-CoV-2-, influensavirus- og RS-virusinfeksjon, hvor det ennå ikke er registrert diagnose i pasientjournalssystemet. Tallene blir etterjustert når registreringsgraden øker.

Medisinske prosedyrekoder registrert i NPR kan brukes til å identifisere pasienter innlagt med luftveisinfeksjon som har fått respirasjonsstøtte under innleggelsen. Prosedyrekodene inkludert i overvåkingen er GXAV01 (respiratorbehandling INA), GXAV10 (non-invasiv behandling med kontinuerlig positivt luftveistrykk (CPAP)) og GXAV20 (non-invasiv behandling med bifasisk positivt luftveistrykk (BiPAP)).

Dødsfall assosiert med innleggelser med luftveisinfeksjon er definert som dødsfall som skjer under sykehusoppholdet eller innen 14 dager etter utskrivning. Datakildene brukt her er NPR og Folkeregistret.

I tilfelle dataene fra NPR ikke er tilgjengelig eller hvis de er ukomplette, kan sykehusinnleggelser med spesifikke luftveisinfeksjoner også overvåkes ved hjelp av data fra MSIS-laboratoriedatabase alene. Rekvirentinformasjon registrert for hver prøve brukes for å identifisere prøver tatt fra pasienter som var innlagt på sykehus på prøvetakingstidspunktet. Positive prøver for SARS-CoV-2, influensavirus og RS-virus blant sykehusinnlagte pasienter overestimerer det reelle antallet sykehusinnleggelser noe i perioder med høy forekomst, men de kan brukes til å følge med på trender.

Dødsfall uansett årsak

FHI er en del av EuroMOMO-samarbeidet som overvåker totaldødeligheten i Europa. I alt 27 land deltar i prosjektet, deriblant Norge. I EuroMOMO modellen sammenlignes observert antall dødsfall med et forventet antall. Forventet antall dødsfall er beregnet basert på hvordan dødeligheten har utviklet seg i Norge de siste fem årene. Covid-19-pandemien førte til store og uvanlige endringer i dødeligheten. For å unngå at disse avvikene påvirker beregningene av forventet antall dødsfall etter pandemien, har EuroMOMO nettverket besluttet å utelate alle uker fra årene 2020, 2021 og 2022 fra beregningene av forventet antall dødsfall. For 2026 er referanseårene 2018-2019 og 2023-2025.

Antall dødsfall vil variere naturlig fra uke til uke. Derfor beregnes et normalområde. Hvis antall dødsfall er innenfor dette normalområdet, er den innenfor den forventede variasjonen for denne tiden av året. Normalområdet er beregnet ved bruk av EuroMOMO sin statistiske modell. I beregningene brukes antall døde per uke fra Dødsårsaksregisteret, mens befolkningsgrunnlaget er hentet fra [SSB sin statistikkbank, tabell 07459](#). Dødsfallene inkluderer alle som er registrert som bosatt i Folkeregistret ved dødstidspunktet. Modelltilnærmingen er nærmere beskrevet [her](#).

Stat19

Stat19 er et av flere initiativ i Folkehelseinstituttet for å øke bruken og nytten av helsedata. Løsningen er fortsatt under utvikling og benyttes her til å lage statistikker hvor det er nødvendig å sammenstille helsedata fra flere registre. Les mer [om Stat19 på våre nettsider](#).